



VORTRAGSREIHE »NEUE BIOARCHÄOLOGISCHE FORSCHUNGEN«

GENOMICS ALTER PATHOGENE

NEUE EINBLICKE IN DIE EVOLUTIONÄRE GESCHICHTE VON KRANKHEITSERREGERN

PROF. DR. DR. VERENA SCHÜNEMANN
Universität Zürich, Institut für Evolutionäre Medizin

Forschung an alten Pathogenen erlaubt es uns neue Einblicke in die Evolutionsgeschichte von Krankheitserregern sowie ihre Anpassung an verschiedene Wirtsorganismen zu bekommen. Unter der Verwendung von ‚Next Generation‘ Sequenzierungsmethoden können die Verursacher historischer Pandemien identifiziert werden und in genomweiten Studien die Geschichte eines Krankheitserregers zurückverfolgt werden, indem alte und moderne Genome miteinander verglichen werden. Als Beispiele werden im Rahmen dieses Vortrag ein mittelalterlicher *Yersinia pestis*-Stamm, der den Schwarzen Tod verursachte, sowie mittelalterliche *Mycobacterium leprae*-Stämme, die im Menschen die Krankheit Lepra verursachen, genauer vorgestellt.